

Параметры для ввода в программу анализатора Miura (300)

Общая информация

Имя: IgM Код: IgM Штрихкод: Ед. изм.: mg/dl Знаков: 0

Тип: Дифференциальная Na+ Бихроматическое считывание Число: 2 Multiply pre-diluted result

Видимые Mode значение: IT

Фильтры

F1: 405 F2: 700

Объемы [мкл]

Проба: 2

Объем флакона:

R1: 250 R1: 50 ml

R2: 50 R2: 20 ml

R3: 20 ml

Реагенты

Включить холостую пробу в расчет

ОП хол. пр. (мин; макс): -3 3

Линейность реагента: 800

Предел определения: 25

Время инкубации / считывания [с]

Запуск Субстрат / Проба: Запуск субстратом

Первая: R1,R2,S -> R3 Инкубировать

180 36 300

Кинетика/Фиксированное время

Нормальные значения

Тип образца: Serum

Пациент	Минимум	Макси...
Female	40	230
Male	40	230
Paediatric		

Коррекция результата (Y = aX + b)

a: 1.000 b: 0.000

Контроли

C1 C2 C3

Nr. Of S.D. for Q.C. ref. Values: 3

Printout customizations

Printout sort order: 0

> Linearity instead of *

< Det. Limit instead of *

ВАЖНО обратите внимание, что тип реакции для данного метода **Дифференциальный бланк образца (Differential sample blank)**, в данном случае активна, но отключена функция бихроматического считывания.

Диапазон нормальных значений указан для взрослого населения в соответствии с рекомендациями производителя реагентов и может быть изменен пользователем в соответствии с местными требованиями.

При использовании единиц измерения, отличающихся от приведенных, убедитесь, что значения стандартов, контрольных материалов, диапазонов нормальных значений и линейности метода введены в этих же единицах.

Рекомендуемые настройки разведения для автоповтора 1:1

Тип калибровки: нелинейная по 6 точкам Logit-Log-5. Калибратор: TruCal Protein 5 уровней + 0 (вода или физраствор).

Контроли: TruLab Protein уровней 1 и 2.

Количество повторов: 2